

Mise à jour : 01/09/2014

	analyse	cotation Montpellier V5	BHN
PRELEVEMENTS			
Extraction ADN		N920 + N206	BHN 220
ADN extrait		N014 + N200 + N206	BHN 90
ARN - cDNA		N193 + N011 + N014	BHN 240
Broyage de tissus		N002	BHN 50
DIAGNOSTICS			
Mutation connue		N300	BHN 120
Angiopathie amyloïde cérébrale	gène APP (exons 16 et 17)	2 N305	BHN 500
	QMPSF	N308	BHN 400
Angiopathie COL4A1	gène COL4A1 (52 exons)	39 N305 + 3 N035	BHN 10110
	QMPSF	N311	BHN 1000
Angiopathie COL4A2	gène COL4A2 (49 exons)	40 N305	BHN 10000
	QMPSF	N311	BHN 1000
Ataxie épisodique type 1 (EA1)	gène KCNA1 (1 exon)	N305 + 3 N035	BHN 610
Ataxie épisodique type 2 (EA2)	gène CACNA1A (47 exons)	40 N305 + 8 N035	BHN 10960
	QMPSF	N311	BHN 1000
CADASIL	gène NOTCH3 2 exons	N305	BHN 250
	gène NOTCH3 13 exons supplémentaires	6 N305 + 2 N035	BHN 1740
	gène NOTCH3 8 exons supplémentaires	6 N305	BHN 1500
	coût max (23 exons)	13 N305 + 2 N035	BHN 3490
Cavernomes cérébraux	gène KRIT1 (16 exons)	16 N305	BHN 4000
	gène MGC4607 (10 exons)	10 N305	BHN 2500
	gène PDCD10 (7 exons)	6 N305	BHN 1500
	QMPSF (3 gènes)	N311	BHN 1000
	séquence cDNA (3 gènes)	6 N305 + 2 N035	BHN 1740
	coût max		BHN 9000
Maladie de COATS+	gène CTC1 (23 exons)	9 N305	BHN 2250
	QMPSF	N311	BHN 1000
Migraine Hémiplégique Familiale	gène CACNA1A partiel (19 exons)	15 N305 + 2 N035	BHN 3990
	gène ATP1A2 (23 exons)	14 N305 + 2 N035	BHN 3740
	gène PRRT2 (3 exons)	2 N305 + 3 N035	BHN 860
MOYA MOYA	gènes BRCC3 (11 exon) / MTCP1 (6 exons)	14 N305 + 2 N035	BHN 3740
	gène GUCY1A3 (8 exons)	8 N305 + 2 N035	BHN 2240
TREX	gène TREX (1 exon)	2 N305	BHN 500
Panel microsatellites	haplotypage	N928	BHN 360
Expertise bioinformatique		N210	BHN 50